**<기계학습을 이용한 유전자 기능 예측> 연구 일지 2주차**

**컴퓨터공학부 소프트웨어전공**

**4학년 박한솔, 박창호**

|  |  |
| --- | --- |
| **목표** | **- MLP Classifier 성능 개선** |
| **진행 사항** | **1. 데이터 구조 선정 및 모델 구현**  Antibiotics의 chemical features와 Bacteria의 gene 정보 간의 연관성을 알아보기 위해서 데이터 구조를 선정 짓고, Klebsiella 데이터로 gene 정보 추가를 위한 데이터 모델 구현했습니다.  **2. 인공지능 스터디 진행**  인공지능 Clustering과 관련하여 expectation maximization 알고리즘 스터디를 진행했습니다. |
| **제약 사항** | **1. 각각의 실험 결과의 단위가 다름.**  데이터 모델 구현을 위해서 Klebsiella, Klebsiella pneumoniae subsp. Ozaenae, Klebsiella pneumoniae subsp. Pneumoniae 등 Species가 유사한 3가지 박테리아의 데이터를 분석하려 했으나 각각의 실험마다 단위가 달라 반응의 기준을 선정하는 데에 제약이 발생했습니다. |